

Table 1.

**Levels of similarity and dissimilarity of SSU rRNA locus of microsporidia of the genus *Nosema***

SSU rRNA gene sequences		Similarity (below) and divergence (above) of SSU rRNA gene sequences												
#	Microsporidia species	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13
1	<i>Nosema bombycis</i> AY209011	=	0	0	0,001	0,003	0,003	0,002	0,003	0,003	0,005	0,006	0,008	0,009
2	<i>Nosema spodopterae</i> AY747307	1,000	=	0	0,001	0,003	0,003	0,002	0,003	0,003	0,005	0,006	0,008	0,009
3	<i>Nosema heliothidis</i> FJ772435	1,000	1,000	=	0,001	0,003	0,003	0,002	0,003	0,003	0,005	0,006	0,008	0,009
4	<i>Nosema trichoplusiae</i> U09282	0,999	0,999	0,999	=	0,002	0,002	0,001	0,002	0,004	0,006	0,006	0,009	0,010
5	<i>Nosema pyrausta</i> HM566196 (FR)	0,997	0,997	0,997	0,998	=	1,000	0,003	0,004	0,006	0,993	0,008	0,011	0,011
6	<b><i>Nosema pyrausta</i> Npyr1 (RU)</b>	0,997	0,997	0,997	0,998	1,000	=	0,003	0,004	0,006	0,993	0,008	0,011	0,011
7	<i>Nosema cf pyrausta</i> AY958071 (US)	0,998	0,998	0,998	0,999	0,997	0,997	=	0,003	0,005	0,006	0,007	0,010	0,011
8	<i>Nosema tyriae</i> AJ012606	0,997	0,997	0,997	0,998	0,996	0,996	0,997	=	0,006	0,007	0,008	0,011	0,011
9	<i>Vairimorpha imperfecta</i> AJ131645	0,997	0,997	0,997	0,996	0,994	0,994	0,995	0,994	=	0,006	0,008	0,011	0,011
10	<i>Vairimorpha ceraces</i> EU267796	0,995	0,995	0,995	0,994	0,993	0,993	0,994	0,993	0,994	=	0,001	0,011	0,013
11	<i>Nosema antheraeae</i> EU864526	0,994	0,994	0,994	0,994	0,992	0,992	0,993	0,992	0,992	0,990	=	0,011	0,014
12	<i>Nosema fumiferanae</i> EU219083	0,992	0,992	0,992	0,991	0,989	0,989	0,990	0,989	0,993	0,989	0,989	=	0,016
13	<i>Nosema cf bombycis</i> GX4 JF443580	0,991	0,991	0,991	0,99	0,989	0,989	0,989	0,989	0,989	0,987	0,986	0,984	=

Taxon names are annotated with Genbank accession numbers of the respective sequences (when available). For *N. pyrausta* and *Nosema cf pyrausta* isolates geographic origin is indicated: France (FR), Russia (RU) and United States (US). Isolate from the present work is in bold.